

# Epidemia leviku matemaatilisest modelleerimisest

Urve Kangro

Tartu Ülikool

17. Eesti matemaatika päevad  
Seedri puhketalu  
17. august 2020

- 1 Matemaatiline modelleerimine
- 2 Epideemia leviku mudelid
- 3 SIR mudel
  - Mudeli analüüs
  - Nakatumiskordaja
  - Faasiportree
  - Mis juhtub pika aja jooksul?
  - Mõned lahendid
- 4 SEIR mudel
- 5 SEAIHRD mudel
  - Parameetrite sobitamine Eesti andmetega
  - Augusti andmed
- 6 SIR tüüpi mudelite puudused ja võimalikud täiendused
- 7 Diferentsvõrrandid: diskreetne SEAIHRD mudel

# Matemaatiline modelleerimine

**Mudel** on mingi reaalse süsteemi või protsessi mistahes esitus või lihtsustus. Mudel on meie arusaam sellest, kuidas mingid protsessid toimuvad.

**Modelleerimine** on teadus mudelite koostamisest ja analüüsist.

**Matemaatiline mudel** on mudel, mis on koostatud kasutades matemaatilisi mõisteid, nagu funktsioonid, võrrandid, võrratused, graafid.

**Mudel** on mingi reaalse süsteemi või protsessi mistahes esitus või lihtsustus. Mudel on meie arusaam sellest, kuidas mingid protsessid toimuvad.

**Modelleerimine** on teadus mudelite koostamisest ja analüüsist.

**Matemaatiline mudel** on mudel, mis on koostatud kasutades matemaatilisi mõisteid, nagu funktsioonid, võrrandid, võrratused, graafid.

## Mudeli koostamine

- Reaalsed sündmused, vaatlustulemused.
- Põhimuutujad, meid huvitavad suurused.
- Seosed põhimuutujate vahel.
- Mudeli omaduste uurimine: kas kõik muutujad on määratud, võimalikud vastuolud, mudeli käitumine parameetrite muutumisel.
- Arvutused.
- Optimeerimine, optimaalne juhtimine.
- Mudeli kontroll ja täiustamine.
- Tulemused, kokkuvõtted, ennustused.

Populatsioon (riigi, linna, ühe kooli , ettevõtte rahvastik) jagatakse rühmadeks (haigusele vastuvõtlikud, haigustekitajaga kokkupuutunud, haiged, haiglasolijad, tervekssaanud, immuunsed).

Kasutatakse erinevaid klassijaotusi ning uuritakse rühmade suuruse muutumist ajas.

## Eesmärgid:

- Mõista, kuidas epideemia levib.
- Ennustada, kui palju on mingil ajamomendil haigeid, kui palju on vaja haiglakohti ja intensiivravi kohti.
- Epideemia leviku kontrollimine (karantiin, vaksineerimine, avalike ürituste keelamine, koolide sulgemine, riigipiiride sulgemine jms.).

# SIR mudel

## Klassid:

- $S$  — terved, haigusele vastuvõtlikud inimesed (*susceptible*)
- $I$  — nakatunud, haiged (*infectious*)
- $R$  — paranenud, immuunsed (*recovered*)

$N$  – kogu populatsiooni suurus,  $N = S + I + R$

# SIR mudel

## Klassid:

- $S$  — terved, haigusele vastuvõtlikud inimesed (*susceptible*)
- $I$  — nakatunud, haiged (*infectious*)
- $R$  — paranenud, immuunsed (*recovered*)

$N$  – kogu populatsiooni suurus,  $N = S + I + R$

Ühe terve inimese nakatumise tõenäosus ajaühikus (päevas):

$$\begin{array}{ccccc} \text{kontaktide arv} & \times & \text{tõenäosus, et kontakt} & \times & \text{tõenäosus, et nakatunuga} \\ & & \text{oli nakatunud} & & \text{kohtudes nakatub} \\ m & \times & \frac{I}{N} & \times & p \end{array}$$

# SIR mudel

Klassid:

- $S$  — terved, haigusele vastuvõtlikud inimesed (*susceptible*)
- $I$  — nakatunud, haiged (*infectious*)
- $R$  — paranenud, immuunsed (*recovered*)

$N$  – kogu populatsiooni suurus,  $N = S + I + R$

Ühe terve inimese nakatumise tõenäosus ajaühikus (päevas):

kontaktide arv  $\times$  tõenäosus, et kontakt oli nakatunud  $\times$  tõenäosus, et nakatunuga kohtudes nakatub

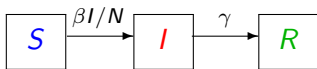
$m \quad \times \quad \frac{I}{N} \quad \times \quad p$

$\beta = mp$ ,  $\gamma$  — terveksaamise kiirus (keskmine haige oldud päevade arv  $\frac{1}{\gamma}$ )

$$S' = -\beta \frac{SI}{N}$$

$$I' = \beta \frac{SI}{N} - \gamma I$$

$$R' = \gamma I$$





# SIR mudeli analüüs

$$\begin{aligned}S' &= -\beta \frac{SI}{N}, & S(0) &= S_0, \\I' &= \beta \frac{SI}{N} - \gamma I, & I(0) &= I_0, \\R' &= \gamma I, & R(0) &= R_0.\end{aligned}$$

Tähelepanekud:

- $S + I + R = \text{const}$ ; eeldame, et  $S + I + R = N$ .
- Kui  $I_0 = 0$ , siis  $S(t) \equiv S_0$ ,  $I(t) \equiv 0$ ,  $R(t) \equiv R_0$ .
- Kui  $S_0 > 0$ ,  $I_0 > 0$ ,  $R_0 \geq 0$ , siis  $S$  kahaneb, kuid jääb alati positiivseks, seega leidub piirväärtus  $S_\infty = \lim_{t \rightarrow \infty} S(t)$ . Samuti leidub piirväärtus  $R_\infty = \lim_{t \rightarrow \infty} R(t)$ .
- Kui  $\frac{S}{N} > \frac{\gamma}{\beta}$ , siis  $I$  kasvab; kui  $\frac{S}{N} < \frac{\gamma}{\beta}$ , siis  $I$  kahaneb.
- Kui  $t \rightarrow \infty$ , siis  $I(t) \rightarrow 0$ .

# Nakatumiskordaja

$$\begin{aligned}S' &= -\beta \frac{SI}{N}, & S(0) &= S_0, \\I' &= \beta \frac{SI}{N} - \gamma I, & I(0) &= I_0.\end{aligned}$$

$\beta = pm$  väljendab seda, mitut inimest üks haige ühe päeva jooksul nakatab,  $\frac{1}{\gamma}$  on keskmine ühe inimese haiguspäevade arv.

Seega üks haige inimene nakatab keskmiselt  $r = \frac{\beta}{\gamma}$  inimest (kui  $S \approx N$ ).

$$\begin{aligned}S' &= -\beta \frac{SI}{N}, & S(0) &= S_0, \\I' &= \beta \frac{SI}{N} - \gamma I, & I(0) &= I_0.\end{aligned}$$

$\beta = pm$  väljendab seda, mitut inimest üks haige ühe päeva jooksul nakatab,  $\frac{1}{\gamma}$  on keskmine ühe inimese haiguspäevade arv.

Seega üks haige inimene nakatab keskmiselt  $r = \frac{\beta}{\gamma}$  inimest (kui  $S \approx N$ ).

Kui  $S > \frac{N}{r}$ , siis  $I$  kasvab; kui  $S < \frac{N}{r}$ , siis  $I$  kahaneb.

Kui  $S \approx \frac{N}{r}$ , siis  $r > 1$  korral epideemia laieneb,  $r < 1$  korral epideemia hääbub.

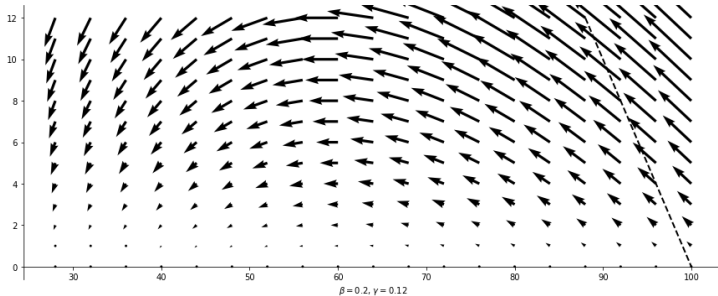
# SIR mudeli faasiportree

$$S' = -\beta \frac{SI}{N},$$

$$S(0) = S_0,$$

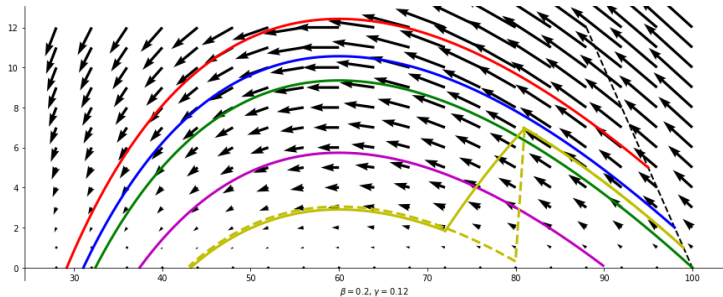
$$I' = \beta \frac{SI}{N} - \gamma I,$$

$$I(0) = I_0.$$



# SIR mudeli faasiportree

$$S' = -\beta \frac{SI}{N}, \quad S(0) = S_0,$$
$$I' = \beta \frac{SI}{N} - \gamma I, \quad I(0) = I_0.$$



Kollane lahend vastab eriolukorrale: 30 päeva pärast eriolukord, kus  $\beta' = \beta/2$  ja  $\beta'' = \beta/10$ ; 60 päeva pärast taastub esialgne olukord. Lilla: epidemia alguses on 10% immuunsed.

# Mis juhtub pika aja jooksul?

$$S' = -\beta \frac{SI}{N} \quad \Rightarrow \quad S(t) = S_0 e^{-\frac{\beta}{N} \int_0^t I(\tau) d\tau}$$

$$I' = \beta \frac{SI}{N} - \gamma I$$

$$R' = \gamma I \quad \Rightarrow \quad R(t) = R_0 + \gamma \int_0^t I(\tau) d\tau$$

Kui  $R_0 = 0$ , siis  $S(t) = S_0 e^{-r \frac{R(t)}{N}}$ .

# Mis juhtub pika aja jooksul?

$$S' = -\beta \frac{SI}{N} \quad \Rightarrow \quad S(t) = S_0 e^{-\frac{\beta}{N} \int_0^t I(\tau) d\tau}$$

$$I' = \beta \frac{SI}{N} - \gamma I$$

$$R' = \gamma I \quad \Rightarrow \quad R(t) = R_0 + \gamma \int_0^t I(\tau) d\tau$$

Kui  $R_0 = 0$ , siis  $S(t) = S_0 e^{-r \frac{R(t)}{N}}$ .

Kui  $t \rightarrow \infty$ , siis  $I(t) \rightarrow 0$  ja  $S_\infty + R_\infty = N$ . Seega  $N - R_\infty = S_0 e^{-r \frac{R_\infty}{N}}$ .

# Mis juhtub pika aja jooksul?

$$S' = -\beta \frac{SI}{N}$$

$$\Rightarrow S(t) = S_0 e^{-\frac{\beta}{N} \int_0^t I(\tau) d\tau}$$

$$I' = \beta \frac{SI}{N} - \gamma I$$

$$R' = \gamma I$$

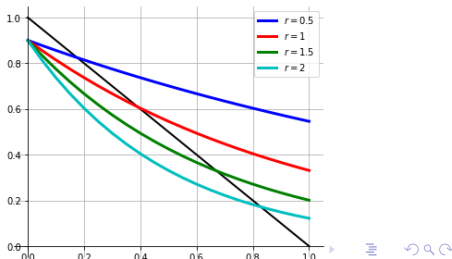
$$\Rightarrow R(t) = R_0 + \gamma \int_0^t I(\tau) d\tau$$

Kui  $R_0 = 0$ , siis  $S(t) = S_0 e^{-r \frac{R(t)}{N}}$ .

Kui  $t \rightarrow \infty$ , siis  $I(t) \rightarrow 0$  ja  $S_\infty + R_\infty = N$ . Seega  $N - R_\infty = S_0 e^{-r \frac{R_\infty}{N}}$ .

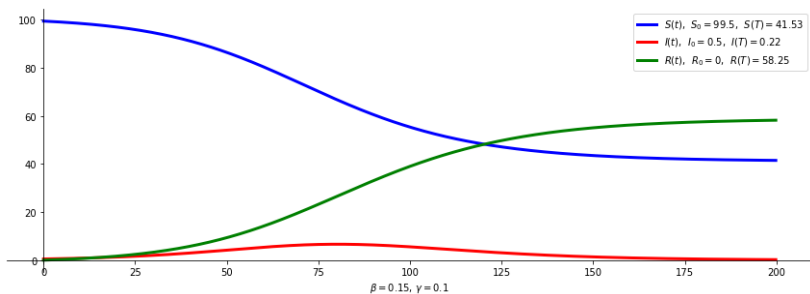
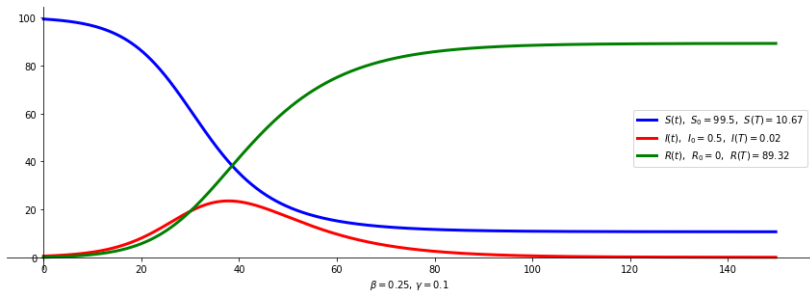
Tähistame  $x = \frac{R_\infty}{N}$  ja  $s_0 = \frac{S_0}{N}$ .  
Siis  $1 - x = s_0 e^{-rx}$ .

Võrrandil on täpselt üks lahend  $x \in (0, 1)$ , see on immuunsuse saavutanute osakaalu piirväärtus, kui  $t \rightarrow \infty$ .

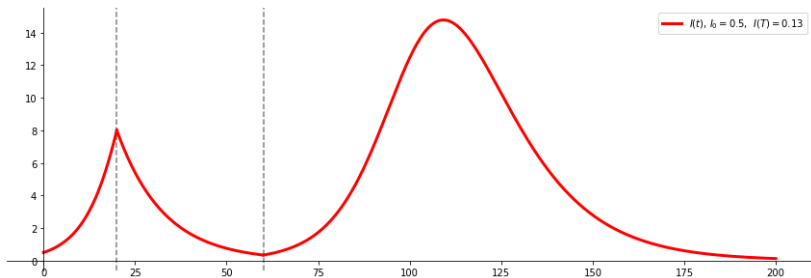
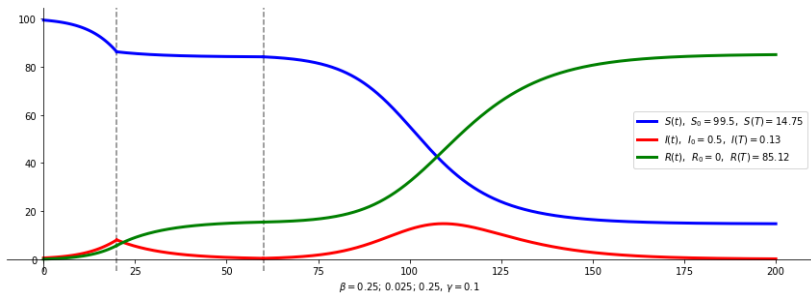




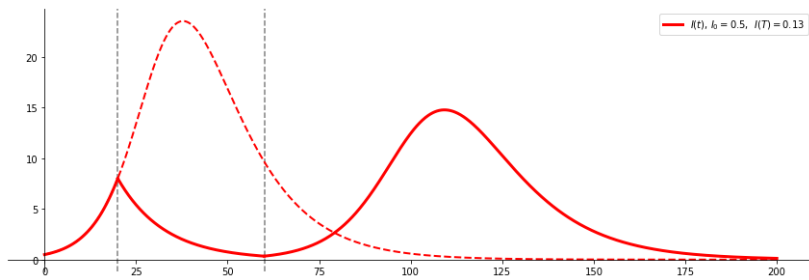
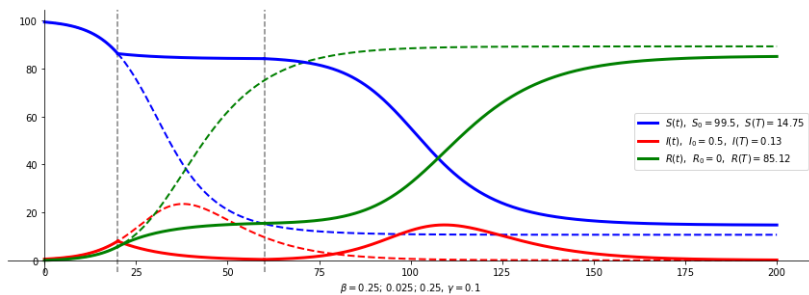
# Mõned lahendid



# Eriolukorra mõju



# Erioluorra mõju



## Klassid:

- $S$  — terved, haigusele vastuvõtlikud inimesed (*susceptible* )
- $E$  — nakatunud, aga veel teisi ei nakata (*exposed* )
- $I$  — nakatunud, haiged (*infectious* )
- $R$  — paranenud, immuunsed (*recovered* )

$$S + E + I + R = N$$

## Klassid:

- $S$  — terved, haigusele vastuvõtlikud inimesed (*susceptible*)
- $E$  — nakatunud, aga veel teisi ei nakata (*exposed*)
- $I$  — nakatunud, haiged (*infectious*)
- $R$  — paranenud, immuunsed (*recovered*)

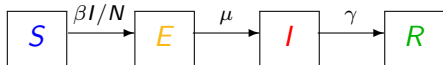
$$S + E + I + R = N$$

$$S' = -\beta \frac{SI}{N}$$

$$E' = \beta \frac{SI}{N} - \mu E$$

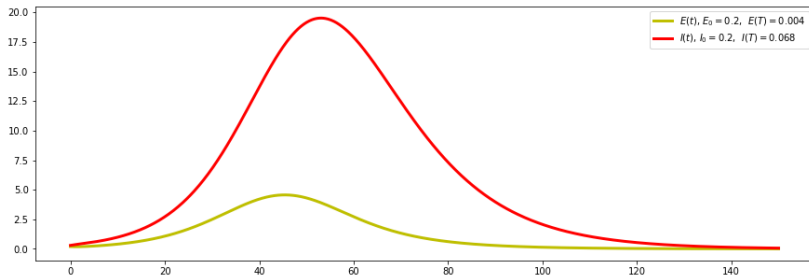
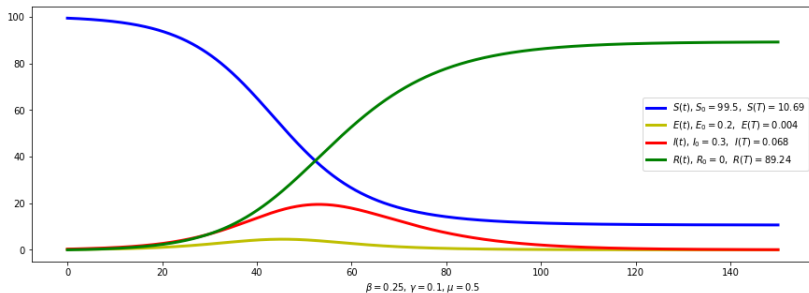
$$I' = \mu E - \gamma I$$

$$R' = \gamma I$$

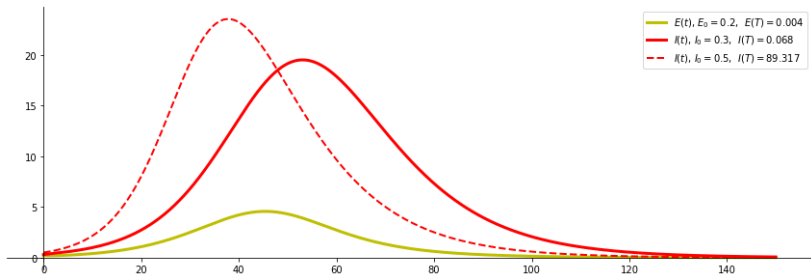
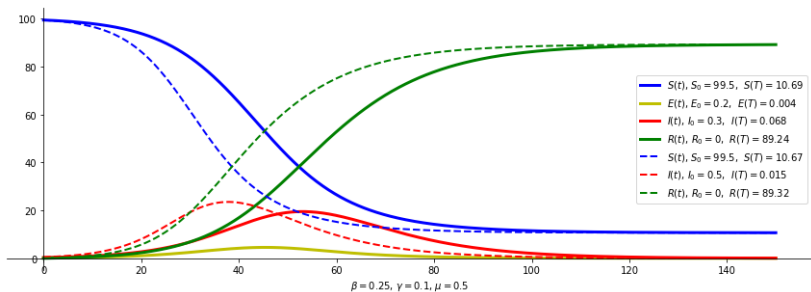


Nakatamiskordaja  $r = \frac{\beta}{\gamma}$  (üks haige inimene nakatab keskmiselt  $r$  inimest).

# Üks lahend



# Üks lahend, võrdlus SIR mudeliga



## Klassid:

- $S$  — terved, haigusele vastuvõtlikud inimesed (*susceptible*)
- $E$  — nakatunud, aga veel teisi ei nakata (*exposed*)
- $A$  — nakatunud, sümptomiteta (*asymptomatic*)
- $I$  — nakatunud, haiged, testitud (*infectious*)
- $H$  — haiglas (*hospitalized*)
- $R$  — paranenud, immuunsed (*recovered*)
- $D$  — surnud (epideemia tõttu) (*dead*)

$$S + E + A + I + H + R + D = N$$

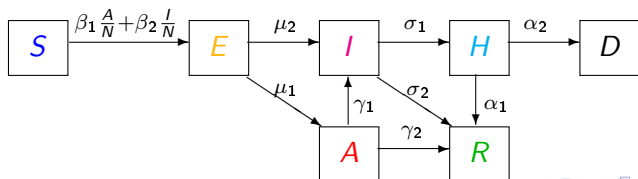


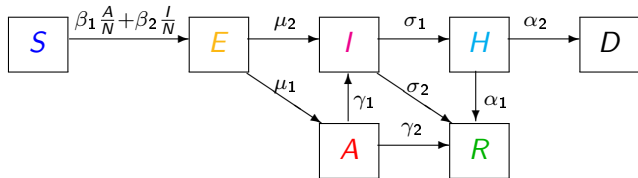
# SEAIHRD mudel

## Klassid:

- $S$  — terved, haigusele vastuvõtlikud inimesed (*susceptible*)
- $E$  — nakatunud, aga veel teisi ei nakata (*exposed*)
- $A$  — nakatunud, sümptomiteta (*asymptomatic*)
- $I$  — nakatunud, haiged, testitud (*infectious*)
- $H$  — haiglas (*hospitalized*)
- $R$  — paranenud, immuunsed (*recovered*)
- $D$  — surnud (epideemia tõttu) (*dead*)

$$S + E + A + I + H + R + D = N$$





$$S' = -\beta_1 \frac{SA}{N} - \beta_2 \frac{SI}{N}$$

$$E' = \beta_1 \frac{SA}{N} + \beta_2 \frac{SI}{N} - (\mu_1 + \mu_2)E$$

$$A' = \mu_1 E - (\gamma_1 + \gamma_2)A$$

$$I' = \mu_2 E + \gamma_1 A - (\sigma_1 + \sigma_2)I$$

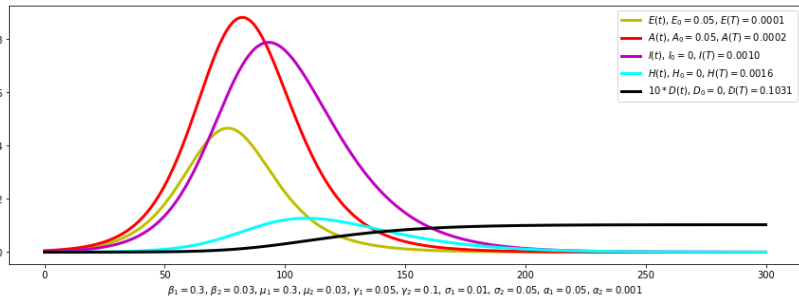
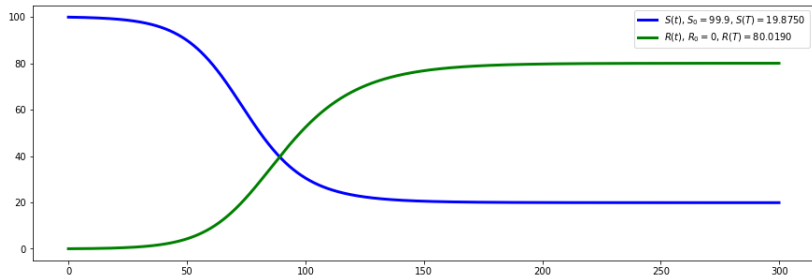
$$H' = \sigma_1 I - (\alpha_1 + \alpha_2)H$$

$$R' = \gamma_2 A + \sigma_2 I + \alpha_1 H$$

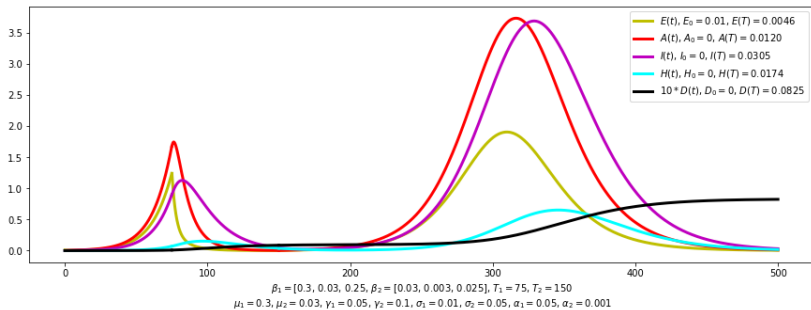
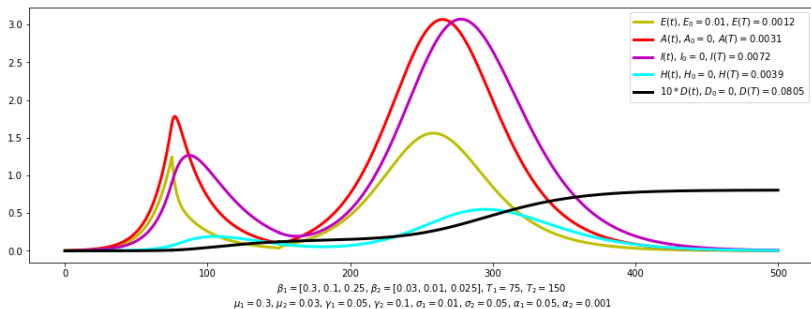
$$D' = \alpha_2 H$$

Nakatamiskordaja  $r = \frac{\beta_1 \mu_1}{\gamma \mu} + \frac{\beta_2}{\sigma} \left( \frac{\mu_2}{\mu} + \frac{\gamma_1 \mu_1}{\gamma \mu} \right)$

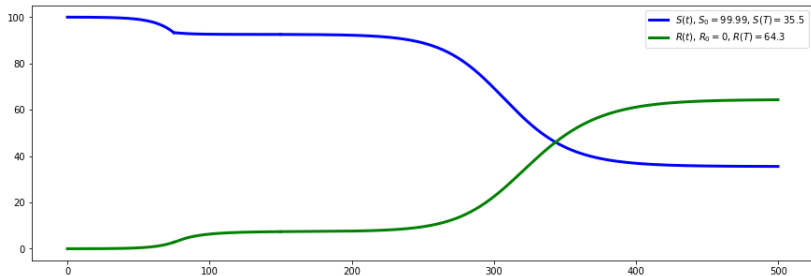
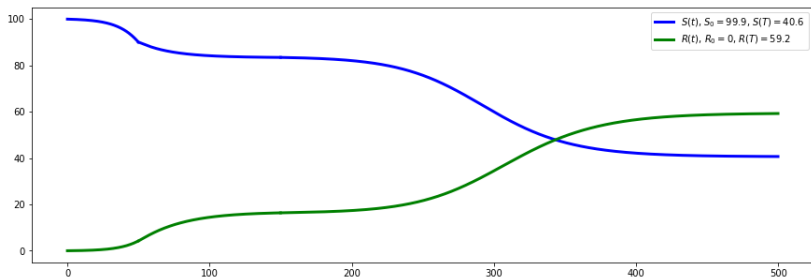
# Üks lahend



# Eriolukorra mõju: leebem ja rangem



# Eriolukorra mõju: leebem ja rangem



# Parameetrite sobitamise Eesti andmetega

$$S' = -\beta_1 \frac{SA}{N} - \beta_2 \frac{SI}{N}$$

$$E' = \beta_1 \frac{SA}{N} + \beta_2 \frac{SI}{N} - (\mu_1 + \mu_2)E + e$$

$$A' = \mu_1 E - (\gamma_1 + \gamma_2)A + a$$

$$I' = \mu_2 E + \gamma_1 A - (\sigma_1 + \sigma_2)I + i$$

$$H' = \sigma_1 I - (\alpha_1 + \alpha_2)H$$

$$R' = \gamma_2 A + \sigma_2 I + \alpha_1 H$$

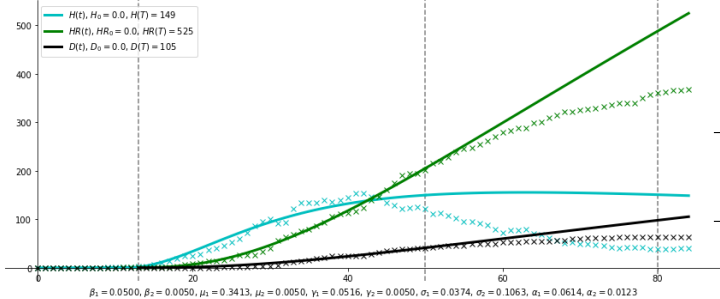
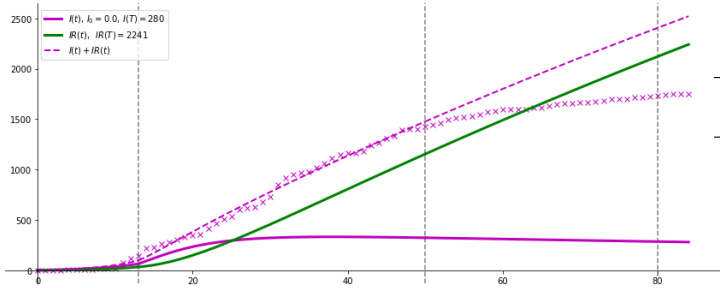
$$D' = \alpha_2 H$$

Leiame kõik vabad muutujad nii, et

$(I + R_I - I_*)^2/10 + (H - H_*)^2 + (D - D_*)^2 + (R_H - R_{H*})^2$  oleks minimaalne.

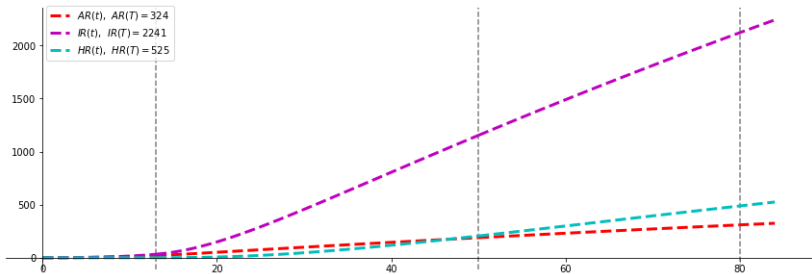
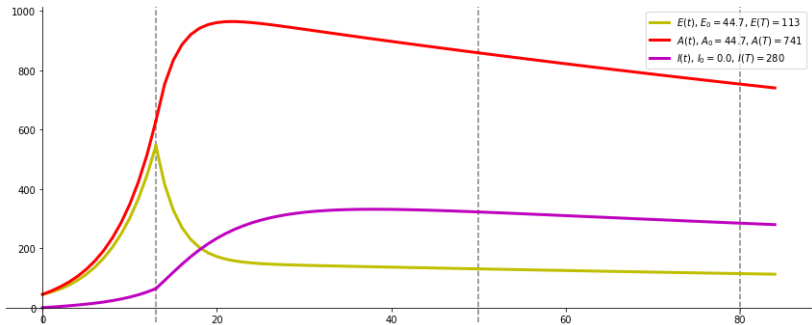
- Välismõjude arvessevõtmine.
- $E$  ja  $A$  kohta info puudub.
- Jagame  $R$  kolmeks osaks:  
 $R = R_A + R_I + R_H$ .
- Andmed on olemas  $I + R_I$ ,  $H$ ,  $R_H$  ja  $D$  kohta.
- Parameetrid  $\beta_1, \beta_2, \mu_1, \mu_2, \gamma_1, \gamma_2, \sigma_1, \sigma_2, \alpha_1, \alpha_2$ , samuti  $e, a$  ja  $i$ .
- Algtingimused: ei tea  $E_0$  ja  $A_0$ , teame  $I_0$ , eeldame, et  $H_0 = R_0 = D_0 = 0$ .

Eesti andmed. Optimeerimiseks kasutatud aeg enne eriolukorda: 0...13 ja eriolukorra ajal 14...50, edasine ennustatud.



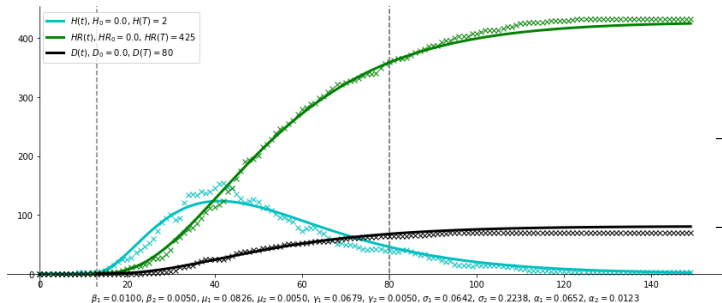
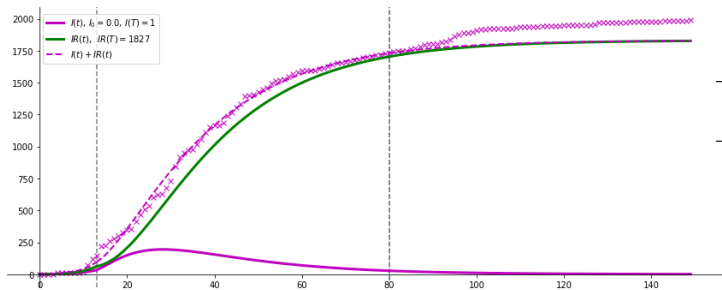
$\beta_1 = 0.0500, \beta_2 = 0.0050, \mu_1 = 0.3413, \mu_2 = 0.0050, \gamma_1 = 0.0516, \gamma_2 = 0.0050, \sigma_1 = 0.0374, \sigma_2 = 0.1063, \alpha_1 = 0.0614, \alpha_2 = 0.0123$

	enne	eri
$E_0$	44,7	
$A_0$	44,7	
$\beta_1$	0,401	0,05
$\beta_2$	0,042	0,005
$\mu_1$	0,266	0,341
$\mu_2$	0,006	0,005
$\gamma_1$	0,027	0,052
$\gamma_2$	0,007	0,005
$\sigma_1$	0,005	0,037
$\sigma_2$	0,116	0,106
$\alpha_1$	0,061	sama
$\alpha_2$	0,012	sama
$e$	0,45	0,22
$a$	0,45	0,22
$i$	0,45	0,22
$r$	11,8	0,896

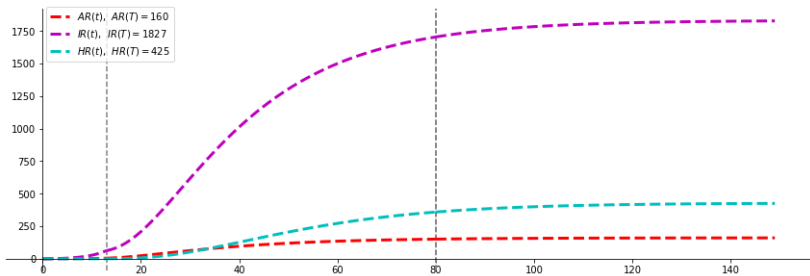
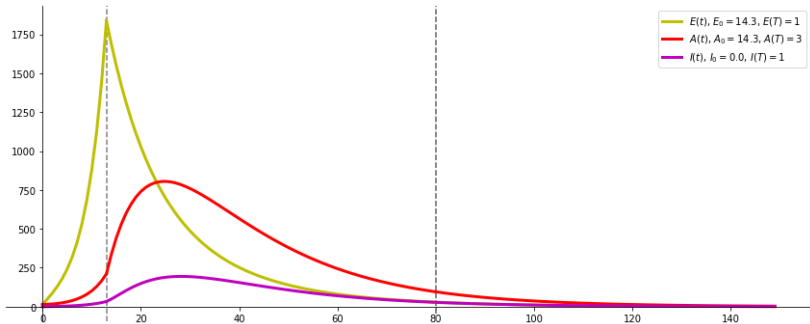




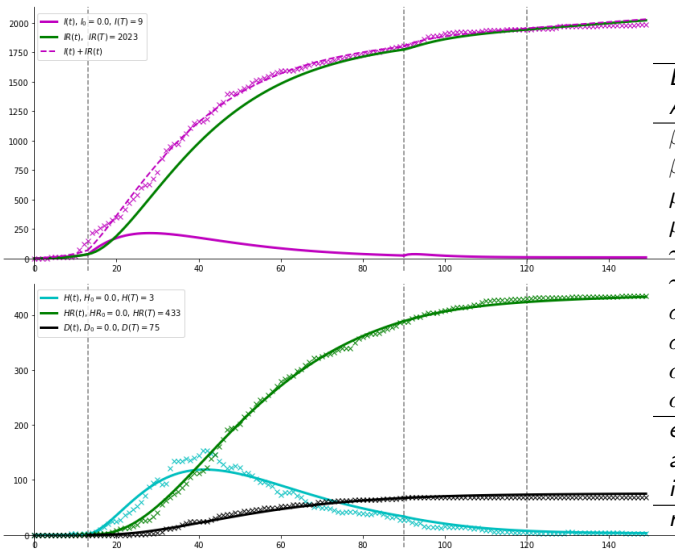
Eesti andmed. Optimeerimiseks kasutatud aeg enne eriolukorda: 0...13 ja eriolukorra ajal 14...80, ennustatud kuni  $T = 150$  (juuli lõpp).



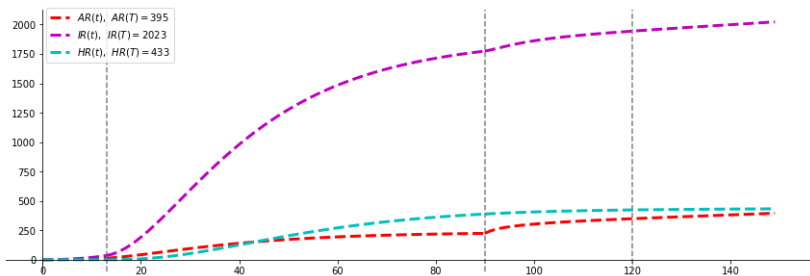
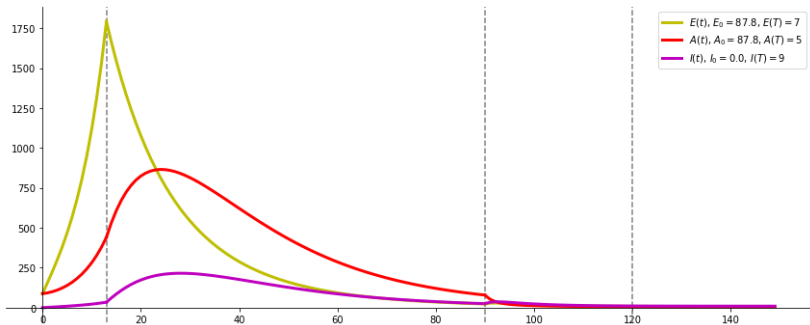
	enne	eri
$E_0$	14,3	
$A_0$	14,3	
$\beta_1$	2,5	0,01
$\beta_2$	0,115	0,005
$\mu_1$	0,03	0,008
$\mu_2$	0,012	0,005
$\gamma_1$	0,01	0,068
$\gamma_2$	0,005	0,005
$\sigma_1$	0,005	0,064
$\sigma_2$	0,5	0,224
$\alpha_1$	0,065	sama
$\alpha_2$	0,012	sama
$e$	0,16	0
$a$	0,19	0
$i$	0,14	0
$r$	119	0,1



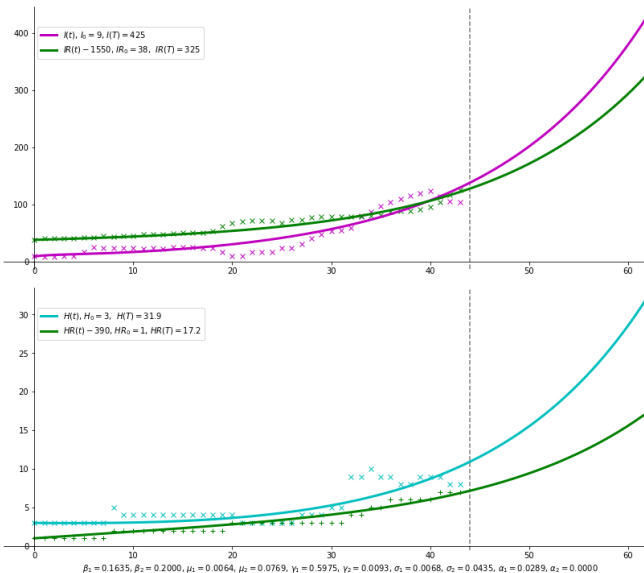
Eesti andmed. Optimeerimiseks kasutatud aeg enne eriolukorda: 0...13, eriolukorra ajal 14...90 ja pärast eriolukorda 90...120, ennustatud kuni  $T = 150$  (juuli lõpp).



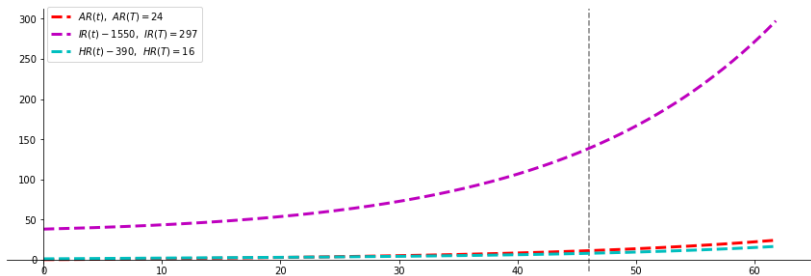
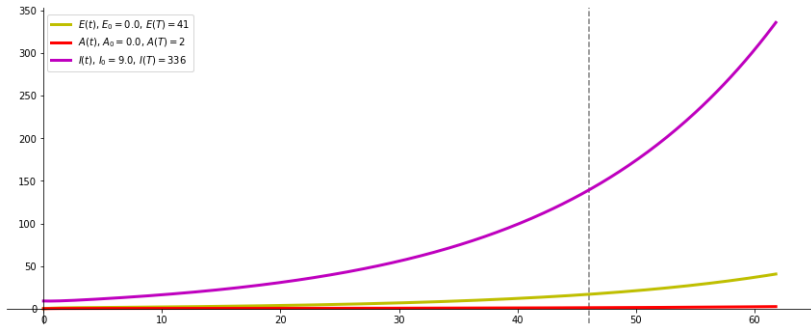
	enne	eri	pärast
$E_0$	88		
$A_0$	88		
$\beta_1$	0,807	0,005	0,157
$\beta_2$	0,04	0,005	0,099
$\mu_1$	0,039	0,071	0,249
$\mu_2$	0,005	0,005	0,117
$\gamma_1$	0,005	0,06	0,206
$\gamma_2$	0,005	0,006	0,287
$\sigma_1$	0,005	0,055	0,024
$\sigma_2$	0,199	0,196	0,28
$\alpha_1$	0,067	sama	
$\alpha_2$	0,012	sama	
$e$	0,88	0,33	0,88
$a$	0,88	0,31	0,87
$i$	0,84	0,46	0,88
$r$	71,6	0,09	0,413



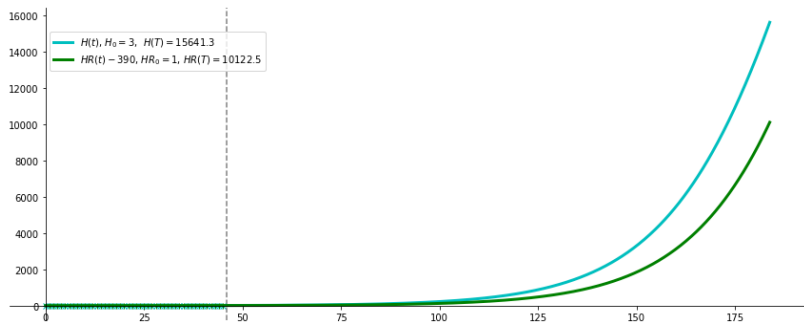
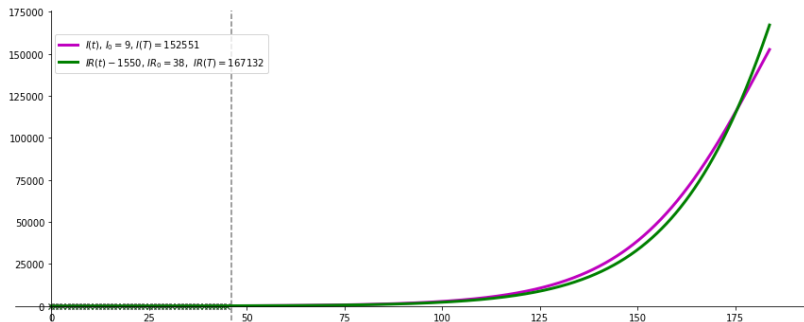
# Kasutatud Postimehe blogi andmeid juuli—august, ennustatud kuni $T = 62$ (augusti lõpp).

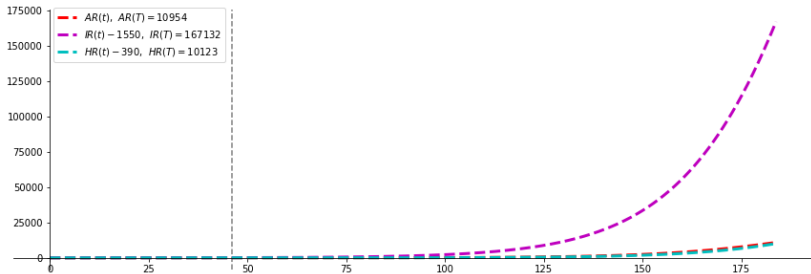
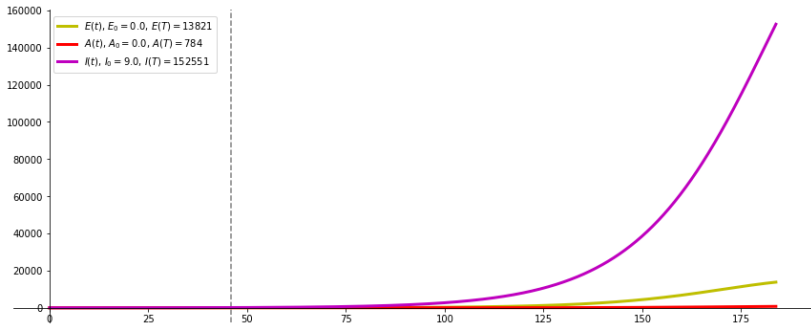


	14.08	15.08	16.08
$E_0$	3,78	3,7	0
$A_0$	3,97	3,97	0
$\beta_1$	0,164	0,102	0,1
$\beta_2$	0,2	0,199	0,117
$\mu_1$	0,006	0,132	0,08
$\mu_2$	0,077	0,047	0,083
$\gamma_1$	0,598	1	0,9
$\gamma_2$	0,009	0,496	0,5
$\sigma_1$	0,007	0,007	0,007
$\sigma_2$	0,044	0,045	0,045
$\alpha_1$	0,029	0,028	0,3
$\alpha_2$	0	0	0
$e$	0	0	0
$a$	0	0	0,23
$i$	0	0	0,04
$r$	3,99	2,97	2,18



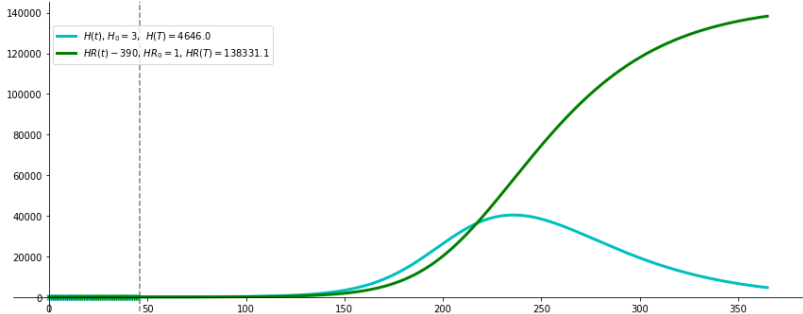
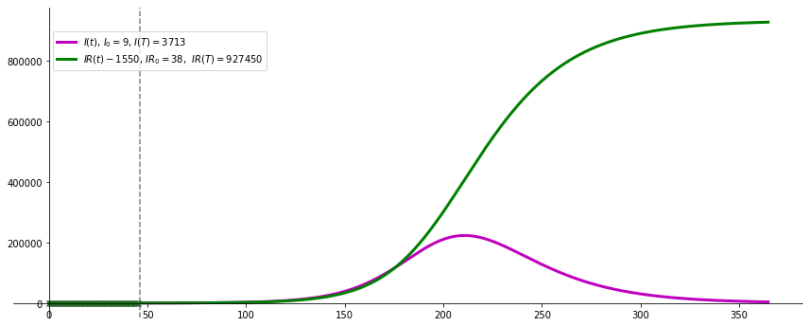
# Ennustus kuni $T = 184$ (aasta lõpp).

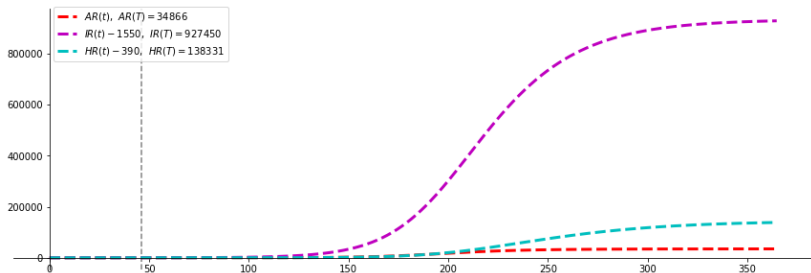
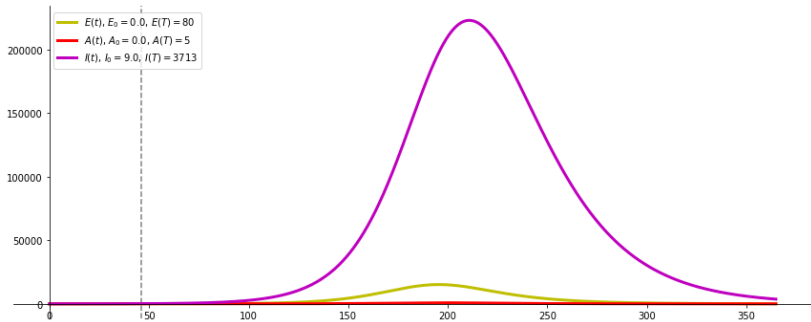






# Ennustus kuni $T = 365$ (juuni lõpp 2021).





# SIR tüüpi mudelite puudused ja võimalikud täiendused

- Mitmed erinevad parameetrite komplektid võivad anda ligikaudu sama mõõdetava tulemuse.

# SIR tüüpi mudelite puudused ja võimalikud täiendused

- Mitmed erinevad parameetrite komplektid võivad anda ligikaudu sama mõõdetava tulemuse.
- Kõik võivad kõiki nakatada võrdse tõenäosusega.

**Lahendus.** Kasutada eri piirkondadele vastavaid klasse  $S_1, S_2, S_3, \dots, E_1, E_2, \dots$ , jne. ja lisada piirkondadevahelised seosed. Võib ka kasutada osatuletistega diferentsiaalvõrrandeid, et kirjeldada haigete ruumilist jaotust, nakkuse levik oleks siis sarnane difusiooniga.

# SIR tüüpi mudelite puudused ja võimalikud täiendused

- Mitmed erinevad parameetrite komplektid võivad anda ligikaudu sama mõõdetava tulemuse.
- Kõik võivad kõiki nakatada võrdse tõenäosusega.  
**Lahendus.** Kasutada eri piirkondadele vastavaid klasse  $S_1, S_2, S_3, \dots, E_1, E_2, \dots$ , jne. ja lisada piirkondadevahelised seosed. Võib ka kasutada osatuletistega diferentsiaalvõrrandeid, et kirjeldada haigete ruumilist jaotust, nakkuse levik oleks siis sarnane difusiooniga.
- Muude mõjude puudumisel ühe klassi suurus kahaneb eksponentsiaalselt (näiteks kui keskmine haiglasoleku aeg oleks 10 päeva, siis saaks 1 päeva järel haiglast välja 9,5% haigetest; 100 päeva pärast oleks ikka veel haiglas 0,0045% haigetest).  
**Lahendus 1.** Kasutada nihkega diferentsiaalvõrrandeid või konvolutsiooni tüüpi integraaloperaatorit, et kirjeldada sõltuvust minevikust.  
**Lahendus 2.** Kasutada diferentsiaalvõrrandi asemel diferentsvõrrandeid sõltuvusega minevikust.

Ühe terve inimese nakatumise tõenäosus 1 päeva jooksul?

Olgu  $A = 0$ . Päevas  $m$  kontakti, tõenäosus, et ühel kontaktil kohtub nakatanuga, on  $I/N$ , tõenäosus nakatunuga kohtudes ise nakatuda olgu  $p$ .

Ühe terve inimese nakatumise tõenäosus 1 päeva jooksul?

Olgu  $A = 0$ . Päevas  $m$  kontakti, tõenäosus, et ühel kontaktil kohtub nakatanuga, on  $I/N$ , tõenäosus nakatunuga kohtudes ise nakatuda olgu  $p$ .

Tõenäosus mitte haigestuda ühel kontaktil on  $1 - pI/N$ .

Tõenäosus mitte haigestuda pärast  $m$  kontakti on  $(1 - pI/N)^m$ .

Tõenäosus haigestuda pärast  $m$  kontakti on  $1 - (1 - pI/N)^m$ .

Seega  $S_{n+1} = S_n - S_n(1 - (1 - pI/N)^m) = S_n(1 - pI/N)^m$ .

Seda võib lähendada  $S_{n+1} \approx S_n(1 - pmI/N)$  või  $S_{n+1} \approx S_n e^{-pmI/N}$ .

Kui klassis  $I$  olevate inimeste kontaktide arvu vähendatakse  $k$  korda, siis  $I/N$  asemel on  $I/(kN)$ .

Ühe terve inimese nakatumise tõenäosus 1 päeva jooksul?

Olgu  $A = 0$ . Päevas  $m$  kontakti, tõenäosus, et ühel kontaktil kohtub nakatanuga, on  $I/N$ , tõenäosus nakatunuga kohtudes ise nakatuda olgu  $p$ .

Tõenäosus mitte haigestuda ühel kontaktil on  $1 - pI/N$ .

Tõenäosus mitte haigestuda pärast  $m$  kontakti on  $(1 - pI/N)^m$ .

Tõenäosus haigestuda pärast  $m$  kontakti on  $1 - (1 - pI/N)^m$ .

Seega  $S_{n+1} = S_n - S_n(1 - (1 - pI/N)^m) = S_n(1 - pI/N)^m$ .

Seda võib lähendada  $S_{n+1} \approx S_n(1 - pmI/N)$  või  $S_{n+1} \approx S_n e^{-pmI/N}$ .

Kui klassis  $I$  olevate inimeste kontaktide arvu vähendatakse  $k$  korda, siis  $I/N$  asemel on  $I/(kN)$ .



Ühe terve inimese nakatumise tõenäosus 1 päeva jooksul?

Olgu  $A = 0$ . Päevas  $m$  kontakti, tõenäosus, et ühel kontaktil kohtub nakatanuga, on  $I/N$ , tõenäosus nakatunuga kohtudes ise nakatuda olgu  $p$ .

Tõenäosus mitte haigestuda ühel kontaktil on  $1 - pI/N$ .

Tõenäosus mitte haigestuda pärast  $m$  kontakti on  $(1 - pI/N)^m$ .

Tõenäosus haigestuda pärast  $m$  kontakti on  $1 - (1 - pI/N)^m$ .

Seega  $S_{n+1} = S_n - S_n(1 - (1 - pI/N)^m) = S_n(1 - pI/N)^m$ .

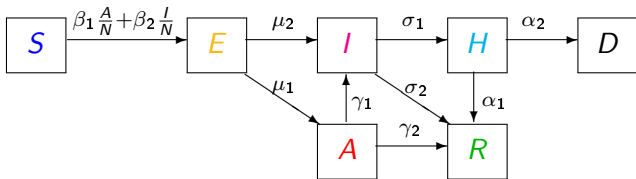
Seda võib lähendada  $S_{n+1} \approx S_n(1 - pmI/N)$  või  $S_{n+1} \approx S_n e^{-pmI/N}$ .

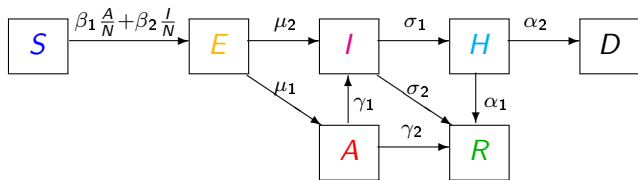
Kui klassis  $I$  olevate inimeste kontaktide arvu vähendatakse  $k$  korda, siis  $I/N$  asemel on  $I/(kN)$ .

Kui  $A \neq 0$ , siis tõenäosus ühel kontaktil nakatuda on  $p_1 A/N + p_2 I/(kN)$ .

Seega  $S_{n+1} = S_n(1 - p_1 A/N - p_2 I/(kN))^m$ .

Seda lähendame  $S_{n+1} \approx S_n e^{-\beta_1 \frac{A_n}{N} - \beta_2 \frac{I_n}{N}}$ , kus  $\beta_1 = mp_1$  ja  $\beta_2 = mp_2/k$ .





Kuidas arvutada ühest klassist teise liikumist?

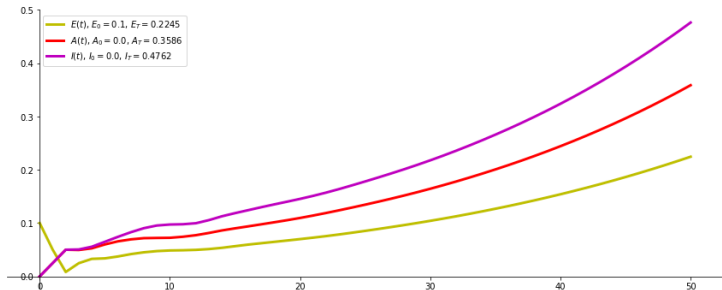
Näiteks  $A \rightarrow I$ : ühe päevaga liikus  $\gamma_{10}$  inimest, 2 päevaga  $\gamma_{11}$  inimest, ....

$$AI_{n+1} = \sum_{k=0}^K \gamma_{1k} EA_{n-k}, \quad AR_{n+1} = \sum_{k=0}^K \gamma_{2k} EA_{n-k},$$

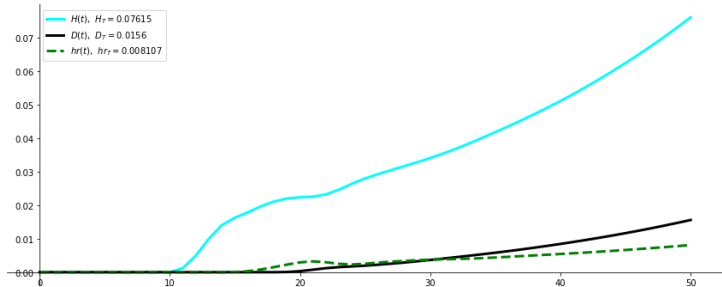
kus  $\sum_{k=0}^K (\gamma_{1k} + \gamma_{2k}) = 1.$

$$\begin{aligned}
SE_{n+1} &= S_n \left( 1 - e^{-\beta_1 \frac{A_n}{N} - \beta_2 \frac{I_n}{N}} \right), & S_{n+1} &= S_n - SE_{n+1}, \\
EA_{n+1} &= \mu_1 SE_{n-1}, & EI_{n+1} &= \mu_2 SE_{n-1}, \\
AI_{n+1} &= \sum_{k=0}^K \gamma_{1k} EA_{n-k}, & AR_{n+1} &= \sum_{k=0}^K \gamma_{2k} EA_{n-k}, \\
IH_{n+1} &= \sum_{k=0}^K \sigma_{1k} (EI_{n-k} + AI_{n-k}), & IR_{n+1} &= \sum_{k=0}^K \sigma_{2k} (EI_{n-k} + AI_{n-k}), \\
HR_{n+1} &= \sum_{k=0}^K \alpha_{1k} IH_{n-k}, & HD_{n+1} &= \sum_{k=0}^K \alpha_{2k} IH_{n-k}, \\
E_{n+1} &= E_n + SE_{n+1} - EA_{n+1} - EI_{n+1}, \\
A_{n+1} &= A_n + EA_{n+1} - AI_{n+1} - AR_{n+1}, \\
I_{n+1} &= I_n + EI_{n+1} + AI_{n+1} - IH_{n+1} - IR_{n+1}, \\
H_{n+1} &= H_n + IH_{n+1} - HR_{n+1} - HD_{n+1}, \\
R_{n+1} &= R_n + AR_{n+1} + IR_{n+1} + HR_{n+1}, \\
D_{n+1} &= D_n + HD_{n+1}.
\end{aligned}$$

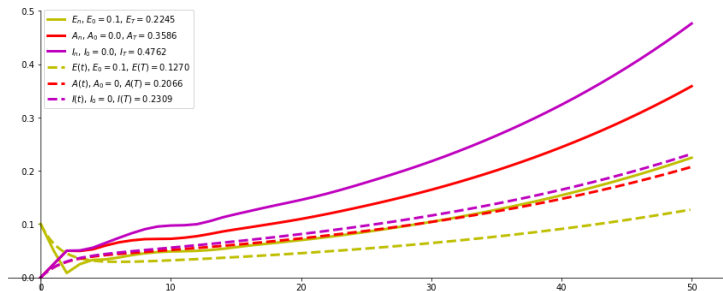
# Üks lahend



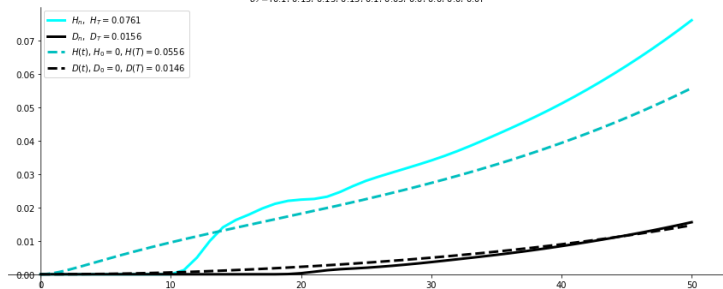
$\beta_1 = 0.3$ ,  $\beta_2 = 0.03$ ,  $\mu_1 = 0.5$ ,  $\mu_2 = 0.5$   
 $\gamma_1 = [0.02, 0.02, 0.02, 0.02, 0.02, 0.02, 0.02, 0.02, 0.02, 0.02]$   
 $\gamma_2 = [0.05, 0.1, 0.15, 0.2, 0.15, 0.1, 0.05, 0.0, 0.0, 0.0]$   
 $\sigma_1 = [0.05, 0.1, 0.1, 0.05, 0.0, 0.0, 0.0, 0.0, 0.0, 0.0]$   
 $\sigma_2 = [0.1, 0.15, 0.15, 0.15, 0.1, 0.05, 0.0, 0.0, 0.0, 0.0]$



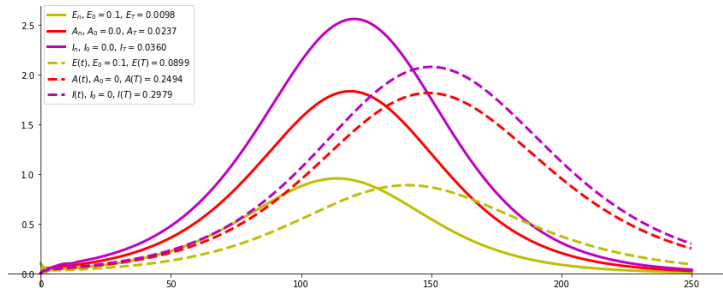
# Võrdlus vastava pideva SEAIHRD mudeliga.



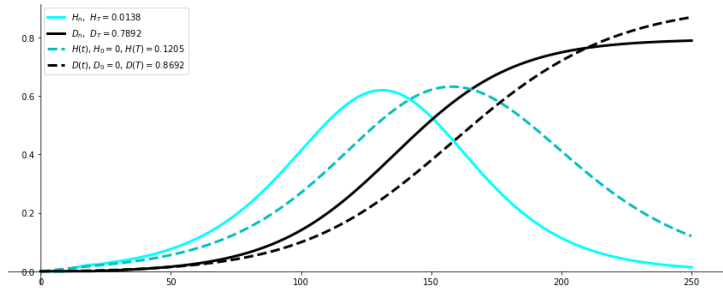
$\beta_1 = 0.3, \beta_2 = 0.03, \mu_1 = 0.5, \mu_2 = 0.5$   
 $\gamma_1 = [0.02, 0.02, 0.02, 0.02, 0.02, 0.02, 0.02, 0.02, 0.02, 0.02, 0.02]$   
 $\gamma_2 = [0.05, 0.1, 0.15, 0.2, 0.15, 0.1, 0.05, 0.0, 0.0, 0.0]$   
 $\sigma_1 = [0.05, 0.1, 0.1, 0.05, 0.0, 0.0, 0.0, 0.0, 0.0, 0.0]$   
 $\sigma_2 = [0.1, 0.15, 0.15, 0.15, 0.1, 0.05, 0.0, 0.0, 0.0, 0.0]$



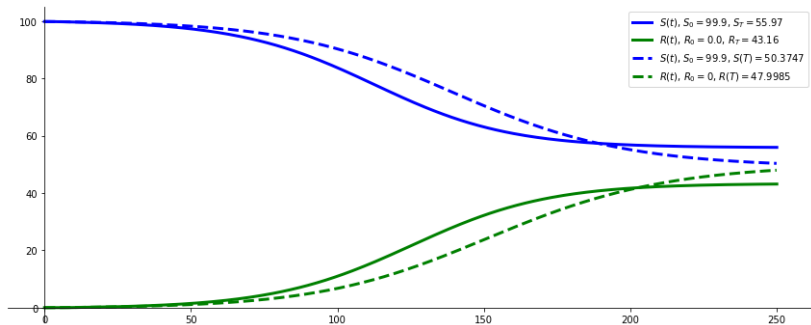
# Sama, pikema ajaga ( $T = 250$ )



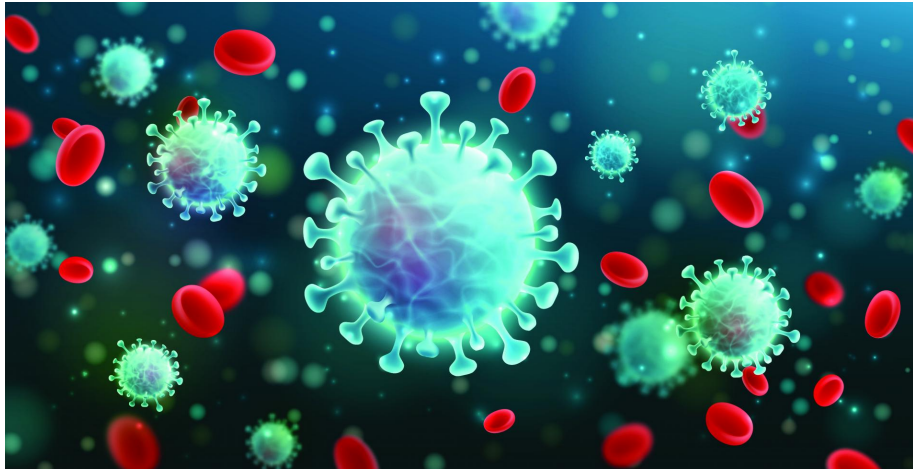
$\beta_1 = 0.3, \beta_2 = 0.03, \mu_1 = 0.5, \mu_2 = 0.5$   
 $\gamma_1 = [0.02, 0.02, 0.02, 0.02, 0.02, 0.02, 0.02, 0.02, 0.02, 0.02, 0.02]$   
 $\gamma_2 = [0.05, 0.1, 0.15, 0.2, 0.15, 0.1, 0.05, 0.0, 0.0, 0.0]$   
 $\sigma_1 = [0.05, 0.1, 0.1, 0.05, 0.0, 0.0, 0.0, 0.0, 0.0, 0.0]$   
 $\sigma_2 = [0.1, 0.15, 0.15, 0.15, 0.1, 0.05, 0.0, 0.0, 0.0, 0.0]$



Sama,  $S$  ja  $R$ .







**Täna kuulamast!**

**Püsige terved!**